

DPIWE数据库的界面介绍

The screenshot shows the DPIWE database interface. The browser address bar is `pathogen.umehd.com/#/DataQuery/Us...`. The interface is divided into four main sections:

- ① 导航栏 (Navigation Bar):** Located on the left side, it contains a sidebar menu with options: 用户查询 (User Query), 项目管理 (Project Management), 序列上传 (Sequence Upload), 物种匹配 (Species Matching), and 物种查询 (Species Query). The '序列上传' option is currently selected and highlighted in green.
- ② 选项卡 (Tabs):** Located at the top, it shows two tabs: '用户查询 - 序列上传' (User Query - Sequence Upload) and '用户查询 - 项目管理' (User Query - Project Management). The '序列上传' tab is active.
- ③ 搜索栏 (Search Bar):** Located below the tabs, it contains search filters for '项目名称' (Project Name), '序列名称' (Sequence Name), '序列信息' (Sequence Information), '最佳匹配' (Best Match), '相似度' (Similarity), and '所有匹配' (All Matches). There are search and reset buttons.
- ④ 数据表 (Data Table):** A table displaying search results with columns: 序列名称 (Sequence Name), 序列信息 (Sequence Information), 最佳匹配 (Best Match), 相似度 (Similarity), 所有匹配 (All Matches), and 操作 (Action). The table contains 11 rows of data. Action buttons (修改, 删除, 详情) are visible for each row.

	序列名称	序列信息	最佳匹配	相似度	所有匹配	操作	
<input type="checkbox"/>	1	AB702728.1.149	TACGGAGGATC	81a617e4415f5	84.6	ties=0	修改 删除 详情
<input type="checkbox"/>	2	AB297941.1.154	TACGGAGGGT	4efb52b9ac7f15	99.6	ties=1:6dad2f14	修改 删除 详情
<input type="checkbox"/>	3	AB116119.1.152	TACGTAGGGG	de8e995b5be96	97.1	ties=0	修改 删除 详情
<input type="checkbox"/>	4	AB176231.1.149	TACGAAGGGT	3f968e44b1c54e	81.3	ties=0	修改 删除 详情
<input type="checkbox"/>	5	AB360343.1.149	CACGTAGGCA	127223eecdaf2	83.2	ties=3:63aef6cf	修改 删除 详情
<input type="checkbox"/>	6	AB675132.1.149	TACGTAGGTG	03310e94bd3a0	95.6	ties=3:03d7b5a	修改 删除 详情
<input type="checkbox"/>	7	AB541681.1.140	TAC2TGCAGC	*	*	*	修改 删除 详情
<input type="checkbox"/>	8	AB606297.1.148	TACGTAGGTG	56969c7916cd1	85.7	ties=0	修改 删除 详情
<input type="checkbox"/>	9	AB626956.1.154	TACGTAGGGG	56969c7916cd1	84.2	ties=0	修改 删除 详情
<input type="checkbox"/>	10	AB176662.1.148	TACGGAGGATC	1cdb819f430c19	95.6	ties=1:3689b08e	修改 删除 详情
<input type="checkbox"/>	11	AB694350.1.149	TACGGAGGGT	3f968e44b1c54e	87.2	ties=0	修改 删除 详情

DPIWE数据库界面共分为4个部分:

- ① 导航栏: 数据库的主要功能实现;
- ② 选项卡: 用户当前使用的数据库功能, 在分析同一个项目时, 建议在不同选项卡之间进行操作;
- ③ 搜索栏: 根据关键词或阈值对匹配结果进行筛选;
- ④ 数据表: 实现对数据库匹配结果进行展示、修改或批量下载的功能。

功能1: 基于物种 (属) 名查询DPIWE数据库储存的病原信息

1 物种查询

2 SpeciesName: vibrio

3 搜索

4 导出Excel

	S...	Ty...	SpeciesName	Taxanonmy	Strain...	HostSource	Sequen...	Sequen...	DOI
1	67804a	H00307	Vibrio parahaemolyticus	k__Bacteria; p	msr12	kelp grouper patho	MH244246.1	Fish pathoge	Austin
2	8b37bc	H00307	Vibrio alginolyticus	k__Bacteria; p	CHN-40	cobia (Rachycentr	KR347209.1	Fish pathoge	Austin
3	617ada	H00307	Vibrio vulnificus	k__Bacteria; p	BJ-SJZ	eel pathogen	KY411911.1	Fish pathoge	Austin
4	e41449	H00307	Vibrio harveyi	k__Bacteria; p	LA08005	gilt-head sea brear	GQ180186.1	Fish pathoge	Austin
5	56c1bb	Bacteri	Aliivibrio wodanis	k__Bacteria; p	03/160	Atlantic salmon pa	JQ361729.1	Fish pathoge	Austin
6	9a294e	H00307	Vibrio scophthalmi	k__Bacteria; p	DAL 1-3-29	olive flounder patho	HG931094.1	Fish pathoge	Austin

功能2：基于DPiWE数据库的16S rRNA基因序列的物种注释（多个上传序列文件的管理）

前台

用户查询

项目管理 ①

序列上传

物种匹配

物种查询

用户查询 - 物种查询 × 用户查询 - 序列上传 × 用户查询 - 项目管理 × 用户查询 - 物种匹配 ×

搜索条件

项目名称: [] 创建时间: [] 项目信息: []

导出Excel

<input type="checkbox"/>	项目名称	创建时间	下载地址	操作
<input type="checkbox"/>	1	2021/12/13 1:31:11	2021/12/13 1:31:11	较长, 请点击右侧详细查看 ② 删除 详细
<input type="checkbox"/>	2	2021/12/12 23:43:58	2021/12/12 23:43:58	较长, 请点击右侧详细查看 删除 详细
<input type="checkbox"/>	3	2021/12/12 23:40:49	2021/12/12 23:40:49	较长, 请点击右侧详细查看 删除 详细
<input type="checkbox"/>	4	2021/12/13 1:27:11	2021/12/13 1:27:11	较长, 请点击右侧详细查看 删除 详细

数据删除**注意事项**:

1. 用户每次成功上传基因序列文件，均会在“项目管理”中自动生成一个项目；
2. 用户的每次分析的数据和结果均储存在单个的项目中，删除项目则所有的数据均被擦除，删除后数据库不记录用户的结果信息，因此请务必谨慎执行。

功能2: 基于DPiWE数据库的16S rRNA基因序列的物种注释 (匹配结果的相似度筛选)

1 序列上传

2 搜索条件

3 序列名称

4 搜索

5 导出Excel

	序列	最佳匹配	相似度	所有匹配	操作		
<input type="checkbox"/>	1	New.CleanUp.Refe	00fcc8a885e8ff3f7	97.8	ties=4:05181bfc92	修改 删除 详细	
<input type="checkbox"/>	2	New.ReferenceOT	TACGGAGGGTGC	00fcc8a885e8ff3f7	97.8	ties=4:0690f0c2db	修改 删除 详细
<input type="checkbox"/>	3	New.CleanUp.Refe	TACGGAGGGTGC	00fcc8a885e8ff3f7	97.8	ties=4:05181bfc92	修改 删除 详细
<input type="checkbox"/>	4	New.CleanUp.Refe	TACGGAGGGTAC	7963e09aab7bd2d	97.1	ties=1:a025b0ad63	修改 删除 详细
<input type="checkbox"/>	5	New.CleanUp.Refe	TACGGAGGGTGC	033de1b858cef15c	97.8	ties=0	修改 删除 详细
<input type="checkbox"/>	6	AB116119.1.1520	TACGTAGGGGGC	de8e995b5be96fe	97.1	ties=0	修改 删除 详细
<input type="checkbox"/>	7	JN681835.1.1520	TACGGAGGGTGC	5303b5f902c0f7c2	97.1	ties=0	修改 删除 详细
<input type="checkbox"/>	8	New.CleanUp.Refe	TACGGAGGGTGC	00fcc8a885e8ff3f7	97.8	ties=4:05181bfc92	修改 删除 详细
<input type="checkbox"/>	9	New.ReferenceOT	TACGGAGGGTGC	00fcc8a885e8ff3f7	97.8	ties=4:0690f0c2db	修改 删除 详细
<input type="checkbox"/>	10	New.CleanUp.Refe	TACGGAGGGTGC	00fcc8a885e8ff3f7	97.8	ties=4:2fd7915d94	修改 删除 详细
<input type="checkbox"/>	11	New.CleanUp.Refe	TACGGAGGGTGC	00fcc8a885e8ff3f7	97.8	ties=4:01a0b6fa4f	修改 删除 详细

功能2: 基于DPiWE数据库的16S rRNA基因序列的物种注释 (物种注释信息的获取与下载)

The screenshot shows a web application interface for species annotation. The interface is divided into a sidebar on the left and a main content area on the right.

Sidebar (Left):

- 前台
- 用户查询
- 项目管理
- 序列上传
- 物种匹配** (1)
- 物种查询
- 相似匹配

Main Content Area (Right):

Search conditions (搜索条件):

- 项目名称: 请选择 (2)
- QueryName: [input]
- Subject: [input]
- Identity: [input]
- Type: 请选择
- SpeciesName: [input]
- Taxonomy: [input]
- StrainName: [input]
- HostSource: [input]
- SequenceAccession: [input]
- SequenceSource: [input]
- DOI: [input]

Buttons: 搜索 (3) and 导出Excel (4)

Table of results:

QueryName	Identity	Ty...	S...	Ta...	Strain...	Host...	S...	S...	DC
1 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	Bacteri	Salmor	k_Bac	Se1	pirarucu (MK881	Fish pa	
2 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	Bacteri	Tenacit	k_Bac	NBRC 159	Fish path	NR_11:	Fish pa	
3 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	Bacteri	Flavoba	k_Bac	FL-15	Fish path	NR_10:	Fish pa	
4 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	Bacteri	Mycoba	k_Bac	ATCC 927	most fish	AF456:	Fish pa	
5 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	Bacteri	Mycoba	k_Bac	ATCC 927	most fish	NR_02:	Fish pa	
6 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	H0107:	Aeromc	k_Bac	BAB-2665	African ca	KF053:	Fish pa	
7 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	H0030:	Vibrio p	k_Bac	CQB-12	Japanese	KR347:	Fish pa	
8 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	Bacteri	Pseudc	k_Bac	J8A4SARS	golden m	MT409:	Fish pa	
9 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	Bacteri	Weisse	k_Bac	PBCS4	rainbow t	MG976:	Fish pa	
10 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	Bacteri	Yersink	k_Bac	LHC83	salmonid:	KC951:	Fish pa	
11 New.CleanUp.ReferenceOTL	100.0	Bacteri	Mycopl	k_Bac	168	Animal pe	NR_12:	Animal	

Page navigation: 1 2 3 ... 12 > 到第 1 页 确定 合计: 1195条 100条/页

功能3: 匹配结果的可视化报告 (下载弹出框内的zip文件)

前台

用户查询

项目管理 ①

序列上传

物种匹配

物种查询

相似匹配

用户查询 - 物种查询 × 用户查询 - 序列上传 × 用户查询 - 项目管理 × 用户查询 - 物种匹配 ×

搜索条件

项目名称: 创建时间: 项目信息:

导出Excel

<input type="checkbox"/>	项目名称	创建时间	下载地址	操作
<input type="checkbox"/>	1	2021/12/13 1:31:11	2021/12/13 1:31:11	较长, 请点击右侧详细查看
<input type="checkbox"/>	2	2021/12/12 23:43:58	2021/12/12 23:43:58	较长, 请点击右侧详细查看
<input type="checkbox"/>	3	2021/12/12 23:40:49	2021/12/12 23:40:49	较长, 请点击右侧详细查看
<input type="checkbox"/>	4	2021/12/13 1:27:11	2021/12/13 1:27:11	较长, 请点击右侧详细查看

删除 详细 ②

详细

下载地址: <http://pathogen.umehd.com/downloadproject/b40d56afd2224c5599d5d517f47ab28a.zip>

关闭